

对硝基苯酚降解菌 *Pseudomonas* sp. HY1 的分离与活性分析

吴萍^{1,2} 张海燕² 李梅² 颜忠诚^{1*} 邱星辉^{2**}

(1. 首都师范大学生命科学学院, 北京 100048; 2 中国科学院动物研究所 农业虫害鼠害综合治理研究国家重点实验室, 北京 100101)

摘要

通过驯化富集, 从受污染的土壤中分离出一株降解对硝基苯酚(*p*-nitrophenol, PNP)的细菌。16S rDNA序列分析鉴定该菌为恶臭假单胞菌 *Pseudomonas* sp. HY1。在有氧, pH 7 和 30 °C 条件下, 该菌能利用 PNP 为碳源和能源生长并将中等浓度(100 mg/L)的 PNP 快速彻底的降解, 高浓度(300 mg/L)PNP 条件下未检测到菌的生长和降解活性。该菌在 15~40 °C 和 pH 值 5~10 的条件下具有降解 PNP 活性, 其中碱性条件(pH 8~10)和 30 °C 时活性最高。

关键词: 对硝基苯酚, 生物降解, 假单胞菌。

中图分类号: Q939.9

硝基苯酚(Nitrophenols, NP)是一类重要的化工原料, 广泛应用于生产杀虫剂、染料、炸药、除草剂、医药等, 常常在生产和使用过程中被释放到环境中^[1]。许多有机磷农药如甲基对硫磷、对硫磷在环境中水解以及其它硝基苯酚除草剂的使用, 也会造成硝基苯酚在土壤中的累积^[2]。硝基苯酚具有较高的毒性和致突变性^[3], 有些甚至是潜在的致癌物质^[2], 已被美国环保总署列为优先污染物^[4]。从使用量和潜在的危害性来看, 对硝基苯酚(*p*-nitrophenol, PNP)是最重要的单硝基酚类化合物^[5]。PNP 对许多生物有毒并可在食物链中富集^[6], 因此具有健康和环境风险, PNP 的毒性及其污染的处理技术是国内外研究的一个重要课题。

生物修复因其成本相对较低而且没有二次污染的特点, 是目前用来大规模消除环境污染的适用技术^[7]。自然界中存在的微生物种类繁多、适应性强, 具有分解多种多样人工合成的有机物的功能, 对于减少污染、净化环境具有很大的潜力, 是环境生物修复的重要资源^[8]。筛选出高效降解菌是生物法消除有机污染的关键步骤, 因此降解菌的分离不仅可为污染物的生物修复提供候选的资源, 对污染物的生

物降解途径的研究也具有重要意义。目前已经分离出不少可降解 PNP 的菌株, 包括 *Arthrobacter*^[9,10], *Burkholderia*^[12], *Ochrobactrum*^[13], *Pseudomonas*^[14~16], *Rhodobacter*^[17], *Rhodococcus*^[18, 19], *Stenotrophomonas*^[20] 等, 但由于 PNP 的强细胞毒性, 大多数降解菌只是在较低 PNP 浓度的条件下具有降解活性^[20]。本研究的目的是分离筛选高效降解 PNP 的细菌, 为 PNP 的生物修复开发资源, 并分析 PNP 浓度、pH 值和温度对其活性的影响, 为降解菌的优先利用打下基础。

1 材料与方法

1.1 主要试剂

PNP(分析纯, 北京市兴津化工厂); 乙腈(色谱纯); 盐酸 N-(1-萘基)-乙二胺(分析纯, 北京化学试剂公司); 对氨基苯磺酸(分析纯, 天津市博迪化工有限公司); 琼脂粉(Difco); 琼脂糖(Sigma); IPTG(Merck); Taq 酶(TakaRa); pGM-T 载体和 T4 DNA 连接酶、1 kb DNA 分子量标准(TIANGEN)。

1.2 培养基

LB 培养基^[21]: 胰蛋白胨 10 g, 酵母膏 5 g, NaCl 10 g, ddH₂O 1 L, pH 7.0。

富集培养基^[22]: 蛋白胨 10 g, NaCl 11.0 g, KH₂PO₄ 1.0 g, 葡萄糖 1.0 g, ddH₂O 1 L, pH 7.0。

无机盐培养基^[23]: MgSO₄·7H₂O 112 mg, ZnSO₄·7H₂O 5 mg, Na₂MoO₄·2H₂O 2.5 mg, KH₂PO₄ 340 mg,

收稿日期: 2008-10-13

* 中国科学院知识创新工程重要方向项目(KSCX2-SW-128)资助

** 通讯作者: Yanzc2003@yahoo.com.cn, quixh@ioz.ac.cn

$\text{Na}_2\text{HPO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ 670 mg, $\text{Ca}(\text{NO}_3)_2$ 14 mg, $\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ 0.13 mg, $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ 500 mg, dd H_2O 1 L, pH 7.0.

1.3 PNP 降解菌株的富集和分离

将5 g 采自河南安阳农药厂厂内、车间仓库及厂外玉米地土样加入富集培养基中培养7 d。按5%的接种量将富集培养物转接到50 mL 无机盐培养基中,以PNP作为唯一碳源,驯化富集PNP降解菌,PNP的初始浓度为5 mg/L,在30 °C,150 rpm条件下避光振荡培养。PNP的亮黄色消失后,再转接到新鲜的无机盐培养基中。如此转接驯化6代,PNP的浓度从5 mg/L逐步提高到50 mg/L。将最后一代无机盐驯化培养液梯度稀释 10^{-5} 后,涂布于含有50 mg/L PNP的无机盐琼脂平板上,30 °C恒温培养。长出单菌落后,挑取周围变为无色的形态不同的单菌落,连续划线纯化,得到PNP降解菌的纯培养物。

1.4 16S rDNA基因克隆与测序

提取菌株的基因组DNA^[24],以基因组DNA为模板,以5'-AGA GTT TGA TCC TGG CTC AG-3'为上游引物,5'-TAC GGT TAC CTT GTT ACG ACT T-3'为下游引物^[25],PCR扩增16S rDNA序列。PCR循环条件:94 °C,3.5 min;30个循环(95 °C变性1 min,41 °C退火40 s,72 °C延伸1.5 min);72 °C延伸10 min。PCR产物经TA克隆后,选取阳性克隆菌株,进行测序(上海英骏生物技术有限公司北京测序部)。

1.5 菌株对PNP降解试验

选取活性较高的菌株接种到50 mL LB培养基中(PNP的终浓度为50 mg/L),同时加入50 mg/L PNP,30 °C,150 rpm,驯化培养36 h,分别取1 mL培养液于1.5 mL的无菌离心管中,4 000 g,4 °C离心10 min,弃去上清液,将沉淀细胞用无机盐培养基洗涤三次,重悬于1 mL无机盐培养基中,作为接种用的种子液。向50 mL pH 7.0的无机盐培养基中加入1 mL种子液,使初始OD₆₀₀为0.1,再加入50 μL 50 mg/mL的PNP母液,使其终浓度为50 mg/L。每个处理设定三个重复,同时设定三个未接菌的空白对照,置于30 °C,150 rpm,培养。在0、2、4、6、8、10、12、取样,分别测定PNP的残留量,菌密度(OD₆₀₀)以及NO₂⁻的生成量。

1.6 菌株对PNP耐受浓度范围的测定

方法同1.5,细胞培养体系中PNP终浓度分别为100 mg/L,300 mg/L,500 mg/L。每个浓度设置2个重复,每隔一天取样一次,连续取样观察一周,测定OD₆₀₀和PNP的残留量。

1.7 温度与pH对菌株降解活性的影响

设定6个温度(分别是15,20,25,30,35,40 °C,pH=8.0)和6个pH(分别为5,6,7,8,9,10,11,温度30 °C)。50 mL培养体系中含50 mg/L的PNP,菌液初始OD₆₀₀为0.10,于150 rpm,避光振荡培养。培养0 h,2 h,4 h,6 h,8 h,10 h,12 h,各时间点分别检测菌的生长状况(OD₆₀₀)和亚硝酸根离子的浓度。

1.8 分析方法

PNP的定量采取HPLC法。取0.5 mL培养液,离心,上清液经0.22 μm的微孔滤膜过滤后进行高效液相色谱(HPLC)分析,测定底物PNP的残留量和NO₂⁻含量。HPLC测定条件为^[13]: HPLC(Agilent 1100, Agilent Technologies, Palo Alto, CA, USA), Agilent Zorbax Eclipse XDB-C18 column, DAD检测器,波长291 nm,柱温30 °C,柱压71 bar,进样量20 μL,流动相:乙腈:水(水中含有乙酸650:1;pH 3.8)15:85,流速0.7 mL/min。

NO₂⁻含量的测定采取Montgomery and Dymock (1961)方法^[26]。吸取50~100 μL上清液于10 mL的比色管中,加无菌双蒸水至2.5 mL,按绘制标准曲线的步骤进行操作,测定样品在540 nm处的吸光度值,从标准曲线上查得NO₂⁻的含量。

2 结果与讨论

2.1 PNP降解菌株的分离与鉴定

土壤培养物在加入PNP为碳源的无机盐培养基驯化富集培养6代后,从中分离到3株可以降解PNP的菌株,选取活性较高的菌株HY1做进一步鉴定和降解特性的研究。用16S rRNA基因序列引物,以该菌基因组DNA为模板,PCR扩增出大约1.5 Kb的产物(图1),将其纯化后连接到pGM-T载体上,转化到E. coli TOP10(TIANGEN)感受态细胞中,蓝白斑筛选出阳性克隆后进行测序。

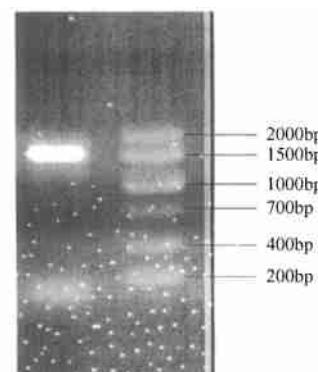


图1 菌株HY1 16S rRNA基因的PCR产物

用 BLAST 软件对菌株 HY1 的 16S rRNA 基因序列和 GenBank 中已经登录的序列进行相似性比较, 结果发现菌株 HY1 与多株恶臭假单胞菌属的序列高度同源(表 1), 说明该菌在分子系统发育分类学上属于 γ -变形细茵假单胞菌科假单胞菌属 (*Pseudomonas*), 属于革兰氏阴性菌, 在此命名为 *Pseudomonas* sp. HY1.

表 1 与菌株 HY1 16S rRNA 基因序列相似性高的微生物

菌株	登记号	相似性
<i>Pseudomonas putida</i>	DQ060242	1 496/1 496(100%)
<i>Pseudomonas putida</i> ft2	DQ192174	1 495/1 496(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> BCNU106	DQ229315	1 493/1 494(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> JG01	DQ458961	1 499/1 501(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> IH-2000	AB029257	1 468/1 470(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> DLL-E4	AF447394	1 498/1 501(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> PD 39	DQ836052	1 496/1 499(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> PM 11	DQ087528	1 495/1 498(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> ATCC17390	AF094737	1 492/1 495(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> 5zhy	AM411058	1 497/1 501(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> S18	AY741157	1 478/1 482(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> WABI935	AM184274	1 468/1 472(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> Z24zhy	AM411067	1 496/1 501(99%)
<i>Pseudomonas putida</i> BM 2	DQ989291	1 496/1 501(99%)
<i>Pseudomonas</i> sp. PHD-8	DQ301785	1 499/1 500(99%)
<i>Pseudomonas</i> sp. ON BA-17	DQ079062	1 495/1 496(99%)
<i>Pseudomonas</i> sp. EP27	AM403529	1 496/1 498(99%)
<i>Pseudomonas</i> sp. WBG-3	AY040872	1 497/1 501(99%)

2.2 菌株对 PNP 降解活性的测定

菌株 HY1 能以 PNP 作为唯一碳源生长, HY1 在 10 h 内能完全降解 50 mg/L 的 PNP, 在 PNP 降解过程中, 以化学反应计量关系释放出亚硝酸根离子, 在 PNP 完全降解时菌增长达到最大(图 2).

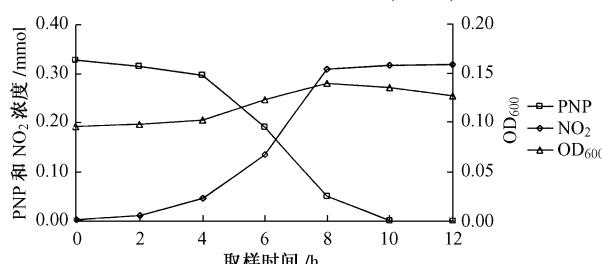


图 2 PNP 降解、NO₂⁻ 生成和菌株 HY1 的生长曲线

2.3 菌株对 PNP 耐受浓度范围的测定

图 3 是菌株 HY1 在含 100、300、500 mg/L PNP 的无机盐培养基中的生长情况. 可见, 当 PNP 浓度为 100 mg/L 时, 菌株 HY1 在第一天时的生长达到最大. 菌的生长与 PNP 的降解是同步的, PNP 浓度为 100 mg/L, 24 h PNP 被全部降解. 当 PNP 的浓度高达

300 mg/L 时, 培养液中的 PNP 含量没有明显变化, 菌密度无明显的增长(图 4). 含苯酚结构的化合物在水中的溶解度高, 在其浓度超过 0.5 mmol/L 时可抑制大多数微生物的生长^[27]. 有些细菌可以在高浓度的 PNP 下具有降解活性, 但往往要经历较长时间的生长延滞期^[16, 19]. 本研究表明在中性 pH 值条件下, HY1 不能耐受高浓度的 PNP, 但能耐受中等浓度的 PNP, 并将 100 mg/L 的 PNP 迅速降解. 有研究表明, 在碱性条件下, PNP 毒性降低, 因此适当提高培养液的 pH 值, 有可能提高 HY1 的耐受范围.

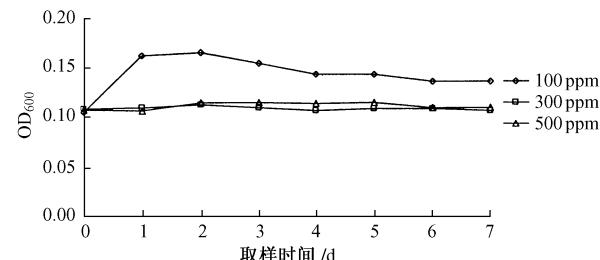


图 3 菌株 HY1 在不同浓度 PNP 下的生长曲线

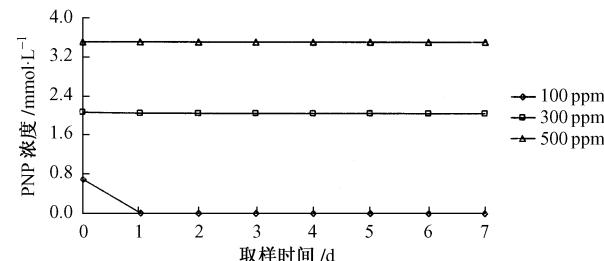


图 4 菌株 HY1 在不同浓度 PNP 下的降解曲线

2.4 温度对菌株代谢活性的影响

温度是影响生物生长和酶促反应的重要因素. 从图 5 可以看到, 在 15~40 °C 范围内, HY1 均能耐受, 表现出一定的降解活性. 在 30 °C 的培养条件下, 菌株降解活性最高, 6 h 将 50 mg/L 的 PNP 完全降解, NO₂⁻ 生成量达到最大; 温度低于 30 °C, 随温度的升高, PNP 的降解效果增强. 在 40 °C 下, HY1 只表现微弱的降解活性.

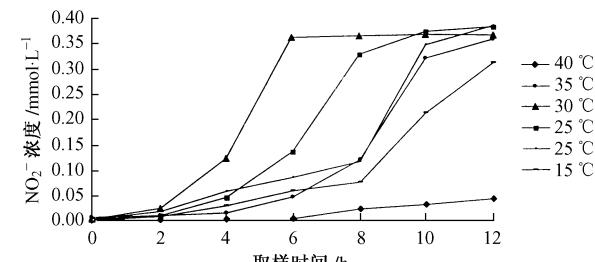


图 5 不同温度条件下 NO₂⁻ 生成量

2.5 pH值对菌株代谢活性的影响

合适的pH环境是生物赖以生长的基本条件, pH值直接影响细胞的生长。此外,培养液的pH值还可以改变PNP的细胞毒性。HY1在不同的pH条件下对PNP的降解活性如图6。在酸性条件下,菌株降解PNP速率较慢,随着pH的增大,降解速率加快,在pH为9的培养条件下,菌株降解PNP的速率达到最快,6 h NO₂⁻生成量在pH为8,9,10时基本一致,可见HY1适合碱性条件并有较宽的碱性适应范围。但当pH达到11时,由于菌株的大量死亡,基

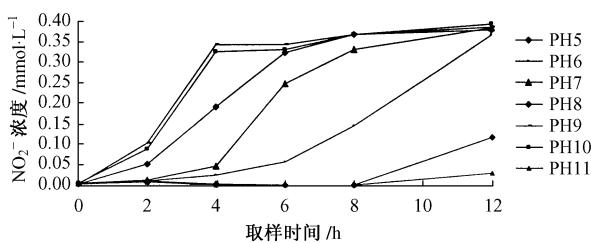


图6 不同pH值条件下HY1对PNP的降解

本没相位测到NO₂⁻的生成。有研究表明,PNP的毒性随pH的降低而增强,生物在酸性条件下对PNP的降解活性下降,这一结论与我们的研究结果相一致。

3 结语

Pseudomonas sp. HY1能以PNP为碳源和能源生长,在pH 7.0、温度30℃时,当起始菌的OD₆₀₀为0.1时,HY1在10 h内可将50 mg/L的PNP完全降解,在24 h内能将100 mg/L的PNP降解完全,并以化学计量关系释放出亚硝酸根离子,在PNP降解完全时,菌株生长也达到最大。PNP对HY1具有一定的细胞毒性,HY1能耐受中等浓度的PNP,当PNP的浓度达到300 mg/L和500 mg/L时,HY1菌的生长都受到抑制,经过7 d的培养,未检测到PNP被降解。pH值和温度对HY1降解PNP的活性有较大影响,在碱性条件(pH 8~10),温度30℃,该菌的降解能力最强。

参 考 文 献

- [1] Spain J C. Biodegradation of nitro-aromatic compounds[J]. Annu Rev Microbiol, 1995.
- [2] Bruhn C, Lenke H, Knackmuss H J. Nitrosubstituted aromatic compounds as nitrogen source for bacteria[J]. Appl Environ Microbiol, 1987, 53: 208~210.
- [3] Spain J C, Hughes J B, Knackmuss H J. Biodegradation of Nitroaromatic Compounds and Explosives[M]. Boca Raton, Florida, USA: Lewis Publishers, 2000. 1~6.
- [4] US Environmental Protection Agency. Water quality criteria[S]. Washington DC: US Environmental Protection Agency. 1976.
- [5] Karin K, Gupta S K. Effects of alternative carbon sources on biological transformation of nitrophenols[J]. Biodegradation, 2002, 13: 353~360.
- [6] Donlon B A, Razo-Flares E, Lettiga G, et al. Continuous detoxification, transformation and degradation of nitrophenol in upflow anaerobic sludge blanket (UASB) reactors[J]. Biotechnology and Bioengineering, 1996, 51: 439~449.
- [7] Ammann P R, Koch G S. Technical and economic analyses in the development of bioremediation processes[J]. Remediation, 1993, 4(1): 115~128.
- [8] 尹萍, 杨彦希. 微生物降解硝基芳香烃及其在环境保护中的应用[J]. 环境科学, 1998, 19(6): 79~82.
- [9] Chauhan A, Chakraborti A K, Jain R K. Plasmid encoded degradation of p-nitrophenol and 4-nitrocatechol by *Arothrobacter* protophormiae[J]. J Biochem Biophys Res Commun, 2000, 270: 733~740.
- [10] Jain R K, Dreisbach J H, Spain J C. Biodegradation of p-nitrophenol via 1,2,4-benzenetriol by an *Arothrobacter* sp[J]. Appl Environ Microbiol, 1994, 60: 3030~3032.
- [11] Kadiyala V, Semets B F, Chandrank, et al. High affinity p-nitrophenol oxidation by *Bacillus sphaericus* JS905[J]. FEMS Microbiol Lett, 1998, 166: 115~120.
- [12] Bhushan B, Chauhan A, Samanta S K, et al. Kinetics of biodegradation of p-nitrophenol by different bacteria[J]. Biochem Biophys Res Commun, 2000, 274: 626~630.
- [13] Qiu X H, Zhong Q Z, Li M, et al. Biodegradation of p-nitrophenol by methyl parathion-degrading *Ochrobactrum* sp. B2[J]. International Biodeterioration Biodegradation, 2007, 59: 297~301.
- [14] Prakash D, Chauhan A, Jian R K. Plasmid encoded degradation of p-nitrophenol by *Pseudomonas cepacia* [J]. Biochem Biophys Res Commun, 1996, 224(2): 375~381.

- [15] Kulkarni M, Chaudhari A. Biodegradation of *p*-nitrophenol by *Pseudomonas putida* [J]. Bioresource Technology, 2006, 97: 982–988.
- [16] 崔中利, 张瑞福, 何健, 等. 对硝基苯酚降解菌 P3 的分离、降解特性及基因工程菌的构建[J]. 微生物学报, 2002, 42(1): 19–25.
- [17] Roldan M D, Blasco R, Caballero F J, et al. Degradation of *p*-nitrophenol by the phototrophic bacterium *Rhodobacter capsulatus* [J]. Arch Microbiol, 1998, 169(1): 36–42.
- [18] Gemini V L, Gallego A, Oliveira V M, et al. Biodegradation and detoxification of *p*-nitrophenol by *Rhodococcus wratislaviensis* [J]. International Biodeterioration Biodegradation, 2005, 55: 103–108.
- [19] 万年升, 顾继东, 郝伏勤, 等. Rhodococcus sp. Ns 对硝基苯酚的好氧生物降解[J]. 环境科学, 2007, 28(2): 431–435.
- [20] Liu Z, Yang Ch, Qiao C. Biodegradation of *p*-nitrophenol and 4-chlorophenol by *Stenotrophomonas* sp [J]. FEMS Microbiol Lett, 2007, 277: 150–156.
- [21] Sambrook J, Russell D W. Molecular Cloning: A Laboratory Manual, 3rd ed [M]. New York: Cold Spring Harbor Press. 2001.
- [22] 李阜棣, 喻子牛, 何绍江. 农业微生物学实验技术[M]. 北京: 农业出版社. 1996, 140–141.
- [23] Silvia F, Pesce, Daniel A, et al. Biodegradation of lindane by a native bacterial consortium isolated from contaminated river sediment [J]. International Biodeterioration and Biodegradation, 2004, 54: 255–260.
- [24] Ausubel F M, Brent R, Kingston R E, et al. Short Protocols in Molecular Biology, 3rd ed [M]. John Wiley & Sons, Inc. 1995.
- [25] Weisburg W G, Barns S M, Pelletier D A. 16S ribosomal DNA amplification for phylogenetic study [J]. J Bacteriol, 1991, 173(2): 697–703.
- [26] Montgomery H A C, Dymock J F. The determination of nitrite in water [J]. Analyst, 1961, 86: 414–416.
- [27] Bhatti Z I, Toda H, Funukawa K. *p*-nitrophenol degradation by activated sludge attached on nonwovens [J]. Water Research, 2002, 36: 1135–1142.

Biodegradation of *p*-Nitrophenol by *Pseudomonas* sp. HY1

Wu Ping^{1,2} Zhang Haiyan² Li Mei² Yan Zhongcheng^{1*} Qiu Xinghui^{2*}

(1 College of Life Science, Capital Normal University, Beijing 100048;

2 State Key Laboratory of Integrated Management of Pest Insects and Rodents, Institute of Zoology, Chinese Academy of Sciences, Beijing 100101)

Abstract

A bacterial strain (HY1), capable of using *p*-nitrophenol (PNP) as a sole source of carbon and energy, was isolated from the pesticide-polluted soil. Analysis of the 16S rDNA gene sequence suggested that Y1 had a close relationship to *Pseudomonas putida* and was designated as *Pseudomonas* sp. HY1. Degradation studies showed that PNP was degraded quickly under aerobic condition, complete depletion of 50 mg/L and 100 mg/L of PNP was achieved in 10 h and 24 h respectively by HY1 at pH of 7 and temperature of 30 °C. No growth of HY1 and PNP degradation by HY1 were detected when PNP concentration reached 300 mg/L in the minimal salt media. The greatest growth of HY1 was observed at temperature of 30 °C and alkaline pH (pH 8–10).

Key words: para-nitrophenol, biodegradation, *Pseudomonas*.